

Decifrado 85% da flora intestinal humana

Biologia & Ciências

Enviado por:

Postado em:05/03/2010

Cientistas decifram quase a totalidade da flora intestinal humana, o que possibilitará a prevenção à doenças.

Cientistas de um consórcio internacional, coordenado pelo Instituto Nacional de Pesquisa Agronômica francês (INRA), decifraram 85% dos genes de bactérias existentes em nosso tubo digestivo e publicaram o estudo na revista científica britânica "Nature". A primeira análise de quase a totalidade dos genes de bactérias existentes em nosso tubo digestivo, ou metagenoma, mostra que o ser humano compartilha uma flora intestinal relativamente similar, ao contrário do que se acreditava. Conhecer este enorme repertório de 3,3 milhões de genes, ou seja, 150 vezes mais que o genoma humano, abre várias perspectivas nas áreas da nutrição e da saúde humana, afirmaram os pesquisadores envolvidos no projeto. Com este gigantesco trabalho, "vamos poder estudar as modificações e desequilíbrios da flora digestiva segundo o estado de saúde (doenças inflamatórias crônicas do intestino, como a doença de Crohn, alergias, obesidade...), a alimentação (iogurtes, leveduras...) ou a medicação", explicou à AFP Stanislav-Dusko Ehrlich, coordenador do MetaHIT. "Isto muda completamente a nossa visão", afirmou. As pesquisas poderiam resultar em testes de diagnóstico e prognóstico. "No futuro, vislumbramos a possibilidade de modificar a flora para melhorar a saúde e o bem-estar. Isto abre a possibilidade de uma prevenção pela alimentação e tratamentos mais apropriados, adaptados a cada indivíduo, segundo sua flora e suas predisposições genéticas", acrescentou o cientista. O papel dos microorganismos no desenvolvimento imunológico e seu envelhecimento poderá ser melhor entendido. No total, 6.000 funções em cada pessoa constituem o metagenoma mínimo necessário para o funcionamento do ecossistema intestinal. Elas abrangem a síntese de vitaminas e aminoácidos indispensáveis ao homem ou à quebra de açúcares complexos importantes para a nossa alimentação. Segundo o estudo, mil espécies bacterianas estão presentes normalmente em grande quantidade no intestino humano e cada indivíduo abriga pelo menos 170. Ao contrário do que se sabia, estes resultados demonstram que os homens são relativamente similares quanto à composição de sua flora intestinal. O metagenoma, estabelecido a partir de 124 indivíduos representativos de populações nórdicas e mediterrâneas, foi possível graças a um projeto europeu de caracterização genética da flora intestinal humana. O MetaHIT, lançado em 2008, reúne nove organismos de pesquisa europeus, quatro grupos industriais (entre eles a Danone) e um instituto chinês. Este conteúdo foi publicado em 04/03/2010 no sítio Ambiente Brasil. Todas as modificações posteriores são de responsabilidade do autor original da matéria.